

10	20	30	40	50
MSSSSWLLLS	LVAVTAAQST	IEEQAKTFLD	KFNHEAEDLF	YQSSLASWNY
60	70	80	90	100
NTNITEENVQ	NMNNAGDKWS	AFLKEQSTLA	QMYPLQEIQN	LTVKLQLQAL
110	120	130	140	150
QQNGSSVLSE	DKSKRLNTIL	NTMSTIYSTG	KVCNPDNPQE	CLLLEPGLNE
160	170	180	190	200
IMANSLDYNE	RLWAWESWRS	EVGKQLRPLY	EEYVVLKNEM	ARANHYEDYG
210	220	230	240	250
DYWRGDYEVN	GVDGYDYSRG	QLIEDVEHTF	EEIKPLYEHL	HAYVRAKLMN
260	270	280	290	300
AYPSYISPIG	CLPAHLLGDM	WGRFWTNLYS	LTVPFQKPN	IDVTDAMVDQ
310	320	330	340	350
AWDAQRIFKE	AEKFFVSVGL	PNMTQGFWEN	SMLTDPGNVQ	KAVCHPTAWD
360	370	380	390	400
LGKGDFRILM	CTKVTMDDFL	TAHHEMIGHIQ	YDMAYAAQPF	LLRNGANEGF
410	420	430	440	450
HEAVGEIMSL	SAATPKHLKS	IGLLSPDFQE	DNETEINFL	KQALTIVGTL
460	470	480	490	500
PFTYMLEKWR	WMVFKGEIPK	DQWMKKWEM	KREIVGVVEP	VPHDETYCDP
510	520	530	540	550
ASLFHVSNDY	SFIRYYTRL	YQFQFQEALC	QAAKHEGPLH	KCDISNSTEA
560	570	580	590	600
GQKLFNMLRL	GKSEPWTLAL	ENVVGAKNMN	VRPLLNYFEP	LFTWLKDQNK
610	620	630	640	650
NSFVGWSTDW	SPYADQSIKV	RISLKSALGD	KAYEWDNEM	YLFSSVAYA
660	670	680	690	700
MRQYFLKVK	QMILFGEEDV	RVANLKPRIS	FNFVVTAPKN	VSDIIPRTEV
710	720	730	740	750
EKAIRMSRSR	INDAFRLNDN	SLEFLGIQPT	LGPPNQPPVS	IWLIVFGVVM
760	770	780	790	800
GVIVVGIVIL	IFTGIRDRLK	KNKARSGENF	YASIDISRGE	NNPGFQNTDI

VQTSF

### Topology

Feature key	Position(s)	Description
Topological domain <sup>1</sup>	18 - 740	Extracellular <a href="#">Sequence analysis</a>
Transmembrane <sup>1</sup>	741 - 761	Helical <a href="#">Sequence analysis</a>
Topological domain <sup>1</sup>	762 - 805	Cytoplasmic <a href="#">Sequence analysis</a>

**האזור החוץ תאי**, מתחיל משייר 18 (חומצה אמינית גלוטמין Gln), ומסתיים בשייר 740 (חומצה אמינית סירין Ser), מסומן בצבע צהוב.

**האזור שחוצה את הממברנה**, מתחיל משייר 741 (חומצה אמינית איזולאוצין Ile), ומסתיים בשייר 761 (חומצה אמינית איזולאוצין Ile), מסומן בצבע ירוק.

**האזור התוך תאי**, מתחיל משייר 762 (חומצה אמינית פניל אלנין Phe) ו מסתיים בשייר 805 (חומצה אמינית פניל אלנין Phe), מסומן באדום.